

次世代シーケンサ Web 解析システム

Target sequencing Web tool kit

SNV confirmation Web tool kit

バルクプライマー設計 Web システム

多数の領域について一気にプライマー設計を行い、その設計結果を保存管理して、個別の領域を再設計できます。

Target sequencing Web tool kit の特長

- ・ **UCSC Knowgene と All mRNA、さらに、Spliced-EST のエクソンから領域を設計**
Gene Symbol や Accession を複数指定して、UCSC の Knowgene、All mRNA、Spliced-EST のエクソン情報からターゲット領域を作成して、BED ファイルとして出力します。
- ・ **ターゲット領域を一気にプライマー設計**
BED ファイルで指定された多数のターゲット領域に対して、一気にプライマー設計を行います。
- ・ **プロダクトサイズよりターゲット領域が広い場合にも対応**
PCR のプロダクトサイズよりもターゲット領域が広い場合は、ターゲット領域をオーバーラップを取りながら、複数の領域に分割してプライマーを設計します。
- ・ **増幅箇所の数をデータ化**
設計結果を使ってゲノムに対し、ePCR を実行して、増幅される可能性のある領域の数をデータ化します。その後、複数箇所増幅する可能性のある領域を検索し、プライマーセットを再選択、もしくは、再設計することができます。
- ・ **プライマー設計結果をデータベースで保存管理 再設計が可能**
設計結果はデータベースに格納されますので、PCR 実験で増幅されない等の不具合が出た場合、そのプライマーセットを ID 等で検索して、再設計を行うことができます。（設計履歴は保存されます。）

SNV confirmation Web tool kit の特長

- ・ **ターゲット SNV 領域を一気にプライマー設計**
BED ファイルで指定された多数の SNV 領域に対して、一気にプライマー設計を行います。
- ・ **増幅箇所の数をデータ化**
設計結果を使ってゲノムに対し、ePCR を実行して、増幅される可能性のある領域の数をデータ化します。その後、複数箇所増幅する可能性のある領域を検索し、プライマーセットを再選択、もしくは、再設計することができます。
- ・ **プライマー設計結果をデータベースで保存管理 再設計が可能**
設計結果はデータベースに格納されますので、PCR 実験で増幅されない等の不具合が出た場合、そのプライマーセットを ID 等で検索して、再設計を行うことができます。（設計履歴は保存されます。）

利用ソフトウェア Primer3